論文審査の結果の要旨

論 文 題 目

Staphylococcus aureus isolated from furunculosis carrying two hyaluronate lyase genes, hysA and hysB

(2 つのヒアルロン酸リアーゼ遺伝子、hysA および hysB を保有する癤腫症由来黄色ブドウ球菌)

論文審查担当者

主 査 教授 小松澤 均

印

審查委員 教授 坂口 剛正

審査委員 教授 太田 耕司

[論文審査の結果の要旨]

【目的】臨床分離された黄色ブドウ球菌 202 株を対象とした比較ゲノム解析の結果、癤から分離された黄色ブドウ球菌株は高い割合でヒアルロン酸分解酵素であるヒアルロン酸リアーゼ(hys)遺伝子を2つ保有することがわかった。黄色ブドウ球菌の保有する一般的なヒアルロン酸リアーゼ遺伝子をhysAと呼称するのに対し、その相同性から、2つ目のhys遺伝子をhysBと命名した。hys遺伝子を2つ保有する癤由来黄色ブドウ球菌 JP025 株を用いて、hysA遺伝子とhysB遺伝子の酵素学的特徴および病態形成における寄与の違いを検討した。

【方法】臨床分離された、hvs遺伝子を2つ(hvsAおよびhvsB)保有する癤由来黄 色ブドウ球菌 $\mathrm{JP}025$ 株を実験に用いた。相同組換えを用いて $\mathit{hys}A$ 遺伝子、 $\mathit{hys}B$ 遺伝子の片方若しくは両方を欠損した株を作製した。作製した株をヒアルロン酸含 有培地に播種・培養し、形成された halo の直径を測定することで菌株におけるヒ アルロン酸分解能を測定した。シグナルペプチドを除いた組換え HysA を精製し、 酢酸ナトリウムバッファー中でヒアルロン酸と混和し、ヒアルロン酸分解能および 至適 pH、酵素反応速度を測定した。ヒアルロン酸分解の作用様式を比較するた め、Hvsとヒアルロン酸を混和した後、ゲル浸透クロマトグラフィーにて分離分 析を行い、得られた産物を分画し、ヒアルロン酸分解における主要な生成物を解析 した。 hys 遺伝子の発現量およびその時期を比較するため、各 hys の C 末端に His-tag を付加した JP025 株(JP025 His-*hys*)を作製し、JP025 His-hys 株を Trypticase soy broth (TSB)培地で培養後、His-tag 抗体を用いた Western blotting にて Hys の発現量を比較した。マウスの皮下感染モデルを用いた実験で は、各 Hys の病態形成における機能を明らかにするため、蛍光タンパク質 GFP を 形質転換した JP025 野生株および変異株を作製し、Hos:HR-1 マウスの右腋窩に 感染させ、7日毎の蛍光シグナルおよび潰瘍の大きさを測定した。また、感染初期 における病態形成への寄与を比較するため、JP025 野生株および変異株を感染 後、2 日目の組織を採取し、免疫組織化学染色およびフローサイトメトリー (FACS)解析、生菌率の測定を行った。免疫組織化学染色ではヒアルロン酸および 黄色ブドウ球菌を染色した。FACS 解析では、Lv6G+、CD11b+細胞を好中球とし て分画した。生菌率の測定は、採取した組織をホモジネーションし、TSA プレー ト上で培養し、組織重量当たりの生菌数を測定した。

【考察】各 Hvs のヒアルロン酸分解能の至適 pH は異なるが、その分解様式は同 じであることが示唆された、したがって、ヒアルロン酸含有培地を用いたアッセイ において hvsB遺伝子を保有すると halo の直径が有意に増大したのは、HvsB の 発現量が高いためであると考えられる。マウス感染モデルを用いたいずれの実験に おいても、hvsA 欠損株で認められた結果は野生株に似た傾向を示したが、14日目 以降の膿瘍の治癒が早まる傾向を示した。これより、hysA 遺伝子が感染後期の潰 瘍の形成に寄与していることが示唆された。また、免疫組織化学染色より、hysB を保有していれば組織中のほぼすべてのヒアルロン酸を分解できることが示され た。一方で、hvsB欠損株では潰瘍形成の遅延傾向およびヒアルロン酸分解量の減 少傾向、好中球遊走割合の減少が認められた。これより、hvsB遺伝子を保有する ことが感染早期の膿瘍の形成に関与していることが示唆された。生菌率が野生株お よび hysA 欠損株で多い傾向にあったのは、感染初期にヒアルロン酸を分解して栄 養源としている、あるいは何らかの影響で phagocytosis が阻害されている可能性 が考えられる。好中球の遊走割合は、野生株および hysA&B 欠損株では同様の結 果が示されたため、hvsB欠損株で逆の結果が示された原因は明らかにはなってい ない。これは hvsB遺伝子を欠損させた遺伝子配列の影響とも、ヒアルロン酸の主 要な受容体である CD44 を介した好中球の遊走とは別の経路での好中球遊走が惹 起されたとも考えられる。

以上の結果より、*hysA* 遺伝子が感染後期の、*hysB* 遺伝子が感染初期の病態の 増悪化に関与していると結論付けた。

これらの研究成果は、瘤由来黄色ブドウ球菌株に特徴づけられる遺伝子を明らかにし、それらの遺伝子について酵素学的特徴および病態形成への寄与を明らかにした点で評価される。

よって審査委員会全員は、本論文が小泉祐真に博士(歯学)の学位を授与するに十分価値あるものと認めた。